

ARTE | ARTE DIGITAL | BIOARTE | BIOLOGÍA | CINE | CULTURA MAKER | DESPOBLACIÓN RURAL DRONES | EMPRENDIMIENTO | ESCRITURA CREATIVA | FORMACIÓN DOCENTE | GENÉTICA HISTORIA | HISTORIA LEONESA | INDUSTRIA MINERA | INFORMACIÓN Y DOCUMENTACIÓN INFORMÁTICA | INGENIERÍA INDUSTRIAL | INVESTIGACIÓN | LITERATURA | MÚSICA | SALUD SEGURIDAD | SOSTENIBILIDAD | SUPERCOMPUTACIÓN | TURISMO | VIDEOJUEGOS

¡apúntate!

Unidad de Extensión Universitaria Universidad de León 987 291 961 | 987 293 372 ulesci@unileon.es | cursosdeveranoonline.unileon.es





Curso práctico de Iniciación al uso de la Supercomputación aplicado al análisis de datos RNA-Seq. 5ª edición

Fechas | 11/07/2022 - 15/07/2022





Directores

Ruth Alonso Martinez.

Responsable Oficina Técnica del Centro de Supercomputación de Castilla y León.

Juan José Arranz Santos.

Profesor, Facultad de Veterinaria. Universidad de León

Horarios

Lunes a Jueves: de 9:00 a 14:00 v de

15:30 a 18:30

Viernes: de 9:00 a 13:00

Lugar

CRAI-TIC

Aula de Formación de SCAYLE

Número de alumnos

Máximo: 20

Duración

36 horas

Tasa de matrícula

Ordinaria: 450 €

Alumnos Unileon: 350 €

Alumnos de otras universidades: 450 €

Desempleados: 350 €

Profesorado / Ponentes Juan José Gutiérrez González.

Aroa Suárez Vega.

Profesora. Facultad de Veterinaria. Universidad de León, Universidad de León,

Beatriz Gutiérrez Gil.

Profesora, Facultad de Veterinaria. Universidad de León.

Cristina Esteban Blanco.

Fundación Centro de Supercomputación de Castilla y León.

Hector Marina García.

Residente HVule. Universidad de León.

Juan José Arranz Santos.

Profesor, Facultad de Veterinaria. Universidad de León.

Universidad de León.

Ruth Alonso Martínez.

Responsable Oficina Técnica del Centro de Supercomputación de Castilla v León.

Cristina Esteban Blanco.

Fundación Centro de Supercomputación de Castilla v León.

Jesús Lorenzana Campillo.

Fundación Centro Supercomputación de Castilla y León.



Programa

Lunes, 11 de julio

Seminario de Introducción al uso de la supercomputación aplicado a la Bioinformática Recepción de Alumnos y Entrega de Documentación

Inauguración del Curso

09:00 | Introducción acceso a Caléndula | Cristina Esteban Blanco.

10:00 | Introducción al entorno Linux | Cristina Esteban Blanco.

11:20 | Introducción al entorno Linux (Continuación) | Cristina Esteban Blanco.

15:30 | Introducción al entorno Linux (Continuación) | Cristina Esteban Blanco.

Martes, 12 de julio

09:00 | NGS v RNA-Seq Supercomputación | Juan José Arranz Santos.

11:45 | Control de Calidad y Trimming (FAstQC, otras herramientas Trimmomatic, etcF.) | Juan José Arranz Santos.

15:30 | Alineamiento de lecturas (Star) y visualización (IGV) | Beatriz Gutiérrez Gil.

Miercoles, 13 de julio

09:00 | Manipulación de secuencias (SamTools) | Beatriz Gutiérrez Gil.

11:45 | Transcript assembly (Stringtie) | Aroa Suárez Vega.

15:30 | Cuantificación de lecturas (RSEM y HTSea) | Aroa Suárez Vega.

Jueves, 14 de julio

09:00 | Introducción a R y Bioconductor. Toma de contacto | Héctor Marina García

11:45 | Análisis de expresión diferencial de RNAsea | Introducción Aroa Suárez Vega

15:30 | Análisis de expresión diferencial de RNAseg | Aroa Suárez Vega

| Programas en R: Práctica con DESeg2.

Viernes, 15 de julio

09:00 | Introducción a las anotaciones funcionales | Juan José Gutiérrez González

09:55 | Bases de datos y ontologías para anotación funcional (KEGG, GO, INTERPRO) | Juan José Gutiérrez González

11:05 | Análisis de enriquecimiento funcional. | Juan José Gutiérrez González

12:00 | Redes funcionales | Juan José Gutiérrez González

12:55 | Clausura del curso.

13:00 | Visita al Superordenador Caléndula (voluntario) | Ruth Alonso Martínez.









